

Fwd: Venturini, Stefania Cane .

1 messaggio

Arianna Ae Ran Accossato <yukonwapiti@gmail.com>

9 marzo 2022 10:07

A: Chiara e Mirko <dicasatoller@gmail.com>

----- Forwarded message -----

Da: <befund@laboklin.de>

Date: mer 9 mar 2022 alle ore 08:30

Subject: Venturini, Stefania Cane .

To: <yukonwapiti@gmail.com>



Medico Veterinario
Dott.ssa Arianna Ae Ran Accossato
Borgata Ruffino 72
12020 Rossana (CN)
Italia

Steubenstraße 4
97688 Bad Kissingen
Fax-Nr.: 0971-68546
Tel.: 0971-72020

Referto

Nr.: 2202-W-15663

Data di arrivo: 26-02-2022

Data referto: 09-03-2022

Dati del paziente:	Cane	Sconosciuto
Proprietario:	Venturini, Stefania	
Materiale:	Sangue in EDTA	
Data del prelievo:	25-02-2022	

Parametro	Risultato	Valori di riferimento
-----------	-----------	-----------------------

Nome:	Games Of Thrones Di Casa Toller
-------	--

Numero Pedigree:	LO 206082
------------------	------------------

Numero Microchip:	380260140192770
-------------------	------------------------

Tatuaggio:	---
------------	------------

Condrodisplasia (CDPA) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della CDPA.

Ereditarietà: autosomica dominante

Condrodistrofia (CDDY and IVDD risk) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della CDDY.

Ereditarietà: autosomica dominante

Sindrome oto-palato-digitale (CLPS) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della CLPS nel gene ADAMTS20.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nella razza Nova Scotia Duck Tolling Retriever
Attenzione: esistono ulteriori forme genetiche della CL/P in questa razza, non rilevabili da questo test genetico.

*Collie Eye Anomalie (CEA) - PCR

Esito: Genotipo: N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di CEA nel gene NHEJ1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Australian Kelpie, Australian Shepherd, Bearded Collie, Border Collie, Boykin Spaniel, Collie e pelo corto e a pelo lungo, Hokkaido, Lancashire Heeler, Miniature American Shepherd, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Shetland Sheepdog, Silken Windhound, Whippet a pelo lungo

Mielopatia degenerativa (DM) esone 2 - PCR

Esito: Genotipo N/N (Esone 2)

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore del fattore di alto rischio per DM nell'esone 2 del gene SOD1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Attenzione: nella razza Bovaro del Bernese collegata con la DM esiste anche la mutazione nell'esone 1 del gene SOD1.

*Atrofia retinica progressiva (prcd-PRA) (lab. partner) - PCR

Esito: Genotipo N/PRA (B)

Interpretazione: L'animale esaminato è portatore eterozigote della

mutazione responsabile dell'atrofia retinica progressiva prcd-PRA nel gene PRCD.

Ereditarietà: autosomica recessiva.

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: American Cocker Spaniel, American Eskimo Dog, Australian Cattle Dog, Australian Shepherd, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Barbone, Bearded Collie, Bolognese, Bolonka Zwetna, Chesapeake Bay Retriever, Chihuahua, Chinese Crested, English Cocker Spaniel, English Shepherd, Entlebucher Mountain Dog, Finnish Lapphund, German Spitz, Golden Retriever, Jack Russell Terrier, Karelian Bear Dog, Kuvasz, Labrador Retriever, Lagotto Romagnolo, Lapponian Herder, Markiesje, Miniature American Shepherd, Norwegian Elkhound, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Parson Russell Terrier, Portugese Water Dog, Schipperke, Schnauzer gigante, Silky Terrier, Spanish Water Dog, Swedish Lapphund, Wäller, Yorkshire Terrier.

Locus D - dl (diluizione del colore del mantello)- PCR

Esito dl: Genotipo N/N (prima D/D)

Interpretazione: L'animale esaminato non porta l'allele dl.

Il genotipo complessivo del complesso del Locus D può essere determinato solamente dopo aver tenuto conto dei risultati dei test su tutti gli alleli fino ad ora conosciuti relativi al Locus D (d1, d2, d3).

Si ricorda che alcuni alleli sono presenti solo in specifiche razze.

Attenzione: la nomenclatura dei risultati è stata modificata per armonizzare i referti dei test genetici.

Per il test genetico eseguito riceverà un certificato. Le chiediamo di verificare l'esattezza dei dati dell'animale e del proprietario e di comunicarci eventuali correzioni il prima possibile. Eventuali correzioni tardive potranno essere eseguite solamente entro la fine del mese successivo alla refertazione ed esclusivamente presentando una conferma scritta da parte del veterinario. **ATTENZIONE:** le variazioni ad un certificato già emesso dovranno essere fatturate separatamente.

Il mittente è responsabile per le corrette informazioni riguardanti il materiale inviato. Il laboratorio non ne è responsabile. Inoltre, ogni obbligo a risarcimenti è limitato al valore del test eseguito.

L'analisi è stata eseguita secondo le ultime conoscenze e tecnologie.

Il laboratorio è accreditato per l'esecuzione di questo test secondo DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (fanno eccezione i test di laboratori partner)

Contributo corriere

Questi risultati fanno riferimento al campione inviato al laboratorio.

Il campione risulta adatto per l'analisi, ove non sia stato fornito altro materiale.

Il mittente è responsabile della correttezza delle informazioni sui campioni inviati.

Questo referto può essere trasmesso solamente completo e inalterato.

Per procedere in modo diverso è necessaria l'autorizzazione scritta da parte di Laboklin GmbH & Co. KG.

*** FINE del referto ***

Fr. MSc Michelle Meißler

Abt. Molekularbiologie

*: effettuato presso laboratori partner